



# Aanvulling Niet-technische samenvatting

## Beoordeling achteraf 20174312-BA

1.1	Titel van het project	<b>1 Algemene gegevens</b> Identificatie, karakterisatie en behandeling van nieuwe virussen
2.1	Welke diersoorten zijn gebruikt?	<b>2 Gebruik dieren</b> Apen, muizen, hamsters, fretten en konijnen
2.2	Hoeveel dieren zijn gebruikt?	In totaal zijn er 744 dieren gebruikt, het gebruikt aantal is lager dan de 2794 dieren die aangevraagd waren. In het project zijn in totaal minder virussen bestudeerd dan verwacht.
2.3	Wat is het werkelijke ongerief dat de dieren hebben ondergaan?	De verwachting was dat zo'n 41% van dieren ernstig ongerief zouden ondergaan. In de praktijk is gebleken dat het SARS-CoV-2 relatief mild is in de diersmodellen, waardoor slechts 2 dieren (<0.5%) ernstig ongerief hebben doorgemaakt en de rest matig of licht.
3.1	Wat zijn de belangrijkste opbrengsten van het project?	<b>3 Opbrengsten</b> We hebben aangetoond dat het nieuwe SARS-CoV-2 de veroorzaker was van een COVID-19 achtige ziekte in apen. En dat deze dieren al vroeg in de infectie virussen uitscheiden zonder dat ze ziek worden. Daarnaast hebben we diverse middelen geïdentificeerd die de infectie en/of de transmissie van het virus kunnen voorkomen.
4.1	Zijn er nieuwe inzichten die kunnen leiden tot vervanging, vermindering en/of verfijning?	<b>4 Nieuwe inzichten</b> Het gebruik van cel kweek modellen die de infectie bij de mens zo dicht mogelijk nabootsen, kunnen helpen bij het selecteren van middelen tegen het virus. Hierdoor hoeven er minder middelen getest te worden in dieren, omdat een deel al zal afvallen tijdens de experimenten in cellen.  We hebben ook methoden gevonden om het verloop van de virus infectie te meten in dieren, waardoor minder vaak nodig zal zijn om dieren op specifieke tijden te doden om te kijken naar virus infectie in weefsels.

**5** In te vullen door CCD

Publicatie datum

01-11-2024

Andere opmerkingen